

Figur 1A

1 GTCTAAGAACCTTAAGGAGAAAGAGATTAAGAGGCAGACATTGCTTGAGCTTGTTGATTA
61 TGTTGCATCAGTTGGTTTAAAGTTTAACGATGTTTCGATGCAAGAGTTAACGAAGATGGT
121 AGCGGTTAATCTGTTTAACTTTTCCTTCTGCGAATCACGAGAGTAAATTCCTGAAAT
181 ACATGATATGGATGATGAAGAACCCTTCTTTGGAGCCAGCTTGGCCTCATGTTCAAGTTGT
241 GTATGAGATTCTTCTCAGATTTCGTGGCTTCTCCCATGACTGATGCAAAGCTTGCCAAGAG
301 ATATATTGACCATTCTTTTGTCTTGAAGCTCTTAGACTTGTTTGATTCTGAAGATCAAAG
361 AGAGAGGGAATATCTAAAACTATTCTGCATCGGGTGTACGGGAAGTTCATGGTGCATCG
421 ACCTTACATCAGAAAGGCGATAACAATATCTTCTACAGATTCATATCCGAGACTGAAAA
481 GCATAATGGCATTGCGGAGTTGCTAGAGATTCTTGGAAGTATAATTAATGGTTTTGCTTT
541 GCCTTTAAAGAAGAGCACAAAGCTCTTCCTTTTGCAGCCTTGATTCCCTCTCCACAAGCC
601 TAAATGTTTCATCAGTCTATCACCAACAGCTTTCGTATTGCATTGTTTCAGTTTGTAGAAAA
661 GGACTTCAAGCTCGCTGATACCGTTATTAGAGGTCTTTTAAATATTGGCCTGTGACTAA
721 CAGCTCAAAGGAAGTTATGTTTCTTGAGAGGTTAGAAGAAGTCTTGGAAGCAACTCAAGC
781 CGCTGAGTTTCAACGTTGTATGGTTCCATTATCCCGACAAATTGCTCGATGCCTCAACAG
841 TTCACATTTCCAGGTTGAGTCTTTGACTATCATCACAACTTCATATCTATCTCTCTTGA
901 TAAAGTCTTGACCTATATATGAAGTTGTACTTTTTGTTTGTGTCAGGTTGCTGAAAAGAC
961 TTGTTTCTATGGAACAACGATCACATAAGAAACCTGATCACTCAGAACCATAAAGTGATA
1021 ATGCCTATAGTCTTCCCAGCTCTTGAGAGAAACACGCGTGGACATTGGAACCAAGCAGTT
1081 CAAAGTCTGACTATAAACGTGAGGAAAGTATTATGCGAGATTGACCAAGTTCTTTTCGAC
1141 GAGTGTTTAGCCAAATTCCAAGTAGAAGAAGTGAATAAAACAGAGGTTAAAGCGAAACGG
1201 GAAAGGACATGGCAACGGTTAGAAGATTTAGCTACTTCAAAGACCGTTGTAACCAACGAG
1261 GCAGTACTGGTTCCAAGATTTGTGTCCTCAGTCAATCTTACTACAAGCAGCTCTGAGTCC
1321 ACAGGGTCGTAGTAGGCTCTCGTAGGTTACTATGTACTTGTAACAAATATTTGTGGTCAC
1381 TATAGAAATGGTTCTTGAGAGACGACTGTATAATTATTTTTTTAAATTATAATCTTTTGG
1441 GTCAAATTGAGAATATTTGATATTATTTTACTGAATTATAATAAACGCCGTAAAACCTCT
1501 CGTTAGTTAACGGCTGACTCTGAAGTGAAAACCTGAAAAGTCGAAGGGTCTCTTTATATTT
1561 TCAGAATCAAAATCTGAAATTTATCTCTCGGTGATCCAGTCTTCGTGAGTGACTTCGAC
1621 GACGACGACGAGTCACACTACTCTTGAGCTTCTCATACTTCGTAAGTTCACTCTCCTCTT
1681 CTCTAAATTGACAACTTTTTCTTCGTTTTCTGCTATTATTGACGACGAGACTTGATTTT

Figur 1B

1741 GTTTTGAAATGAAATGGTTCAAGTAGCTGACTTCGACTATGTTCTTTTGGGTTTTTGTCA
1801 TTGAATCTTACTTGTCTGATTTGGTCGATGTTTAATCAATTCAACACTTAAAGATTCAAT
1861 TTTTGGATTGACACTTGACATTTTTTATTAGACCCAGGTTGATTTGGGAAATAATGGAT
M D 2
1921 GAATCTCTGGAGCATCAAACACATGGTAAGTAAATTTTCATAGATTTAATCTCT
E S L E H Q T Q T H D 13
1981 CTGAATACATATATATGACTTCAATATGTTTGATTGGAGTTTTTTTTGTTGTCCCATATTC
2041 AATTGGATGCTTTGTTAAAGGATAAATGTCTATCAAATTATGTTGACTGCGTTATTCTTT
2101 CTAAATCATATTGTGAATCTTGAACAAAGCATGTATACAACAAATTTGTTAGACTTAAT
2161 AACTCCTTTTCTGTTTGTTAAGAATTGAGAATGACTATTGGGGTTGACTAATGCATCTTT
2221 TGTGGCTCCAGACCAAGAGAGCGAAATAGTTACTGAAGGAAGTGCCGTTGTGCATAGTGA
Q E S E I V T E G S A V V H S E 29
2281 GCCATCTCAAGAGGGTAATGTTCTCTCTAAAGTTGATAGTGAAGCTGAGGTCTTGGATGA
P S Q E G N V P P K V D S E A E V L D E 49
2341 GAAAGTCAGTAAGCAGATTATAAAGGAAGGTCACGGTTCCAAACCATCCAAGTACTCTAC
K V S K Q I I K E G H G S K P S K Y S T 69
2401 ATGCTTTTGTAAAGTACCCTTTAGCTTTCTGTTGATTGGATGTTGATTTTTCGATTGCACT
C F L 72
2461 TGTTGGCCTATTGCTACTGTTTATTTGAATCTTTCTATCTGACCAATTTTCATATTGGCCA
2521 TAGTGCACTACAGGGCATGGACCAAAAACCTCGCAGCACAAATTTGAGGATACATGGCATG
H Y R A W T K N S Q H K F E D T W H E 91
2581 AGCAGCAACCTATTGAATTGGTTCTTGGAAAAGGTATGTGGCTGTGCAATATGTACTCTA
Q Q P I E L V L G K E 102
2641 CACCTCCATTTTCGTTAGATGAATCGTCATTGGTAAATTTGATGAGTTAGCTTGTGTATTA
2701 TATGAACCCAATGAGATGGATATTTGGGAGGAAAAAAGATTGAGTTTTGTATTTTTTTTGG
2761 CTTCAATGCTGATTAGCCCATTTTAACGTCACTATACAATTTTTTTTTATAAAAAAGATTG
2821 TGCACTAAGAGTGAAATGTTGTCTGTGAGACAGAGAAAAAAGAACTAGCCGGTTTAGCCA
K K E L A G L A I'111
2881 TCGGTGTTGCTAGCATGAAGTCTGGTGAACGTGCGCTTGTGCATGTTGGCTGGGAATTAG
G V A S M K S G E R A L V H V G W E L A 131
2941 CTTATGGGAAAGAAGGAACTTTTCTTTTCCCAATGTTCCACCTATGGCAGACTTGTTAT
Y G K E G N F S F P N V P P M A D L L Y 151
3001 ATGAGGTGGAAGTTATTGGGTTTGATGAAACAAAGGAGGTAAGTTATTTCTATACCATC
E V E V I G F D E T K E 163

Figur 1C

3061 ATCTTGTTTCCTTACCAAGACGACTCCACATCCAAGCTTTATCCCAACCTCCTTGCTTAC
3121 CTCTCTGACTTAGATGATGTATTGAACAGGGAAAAGCTCGCAGTGATATGACTGTAGAGG
G K A R S D M T V E E 174
3181 AAAGGATTGGTGCAGCAGACAGAAGAAAAATGGATGGGAATTCTCTTTTTAAGGAGGAGA
R I G A A D R R K M D G N S L F K E E K 194
3241 AACTGGAGGAAGCCATGCAACAGTATGAAATGGTTATGCATCTCTCTATCTCTATCTC
L E E A M Q Q Y E M 204
3301 TCTTTCCAACAATTACGGTCAAAGTTTAGGTTTTAGGCATACTTAGTGAGTCTGCTCGA
3361 GGCTCTTGTGTCTTCTTTTCGGCTTTTGATTAGTCATGGTTTTGCTGTTTCAGGCCATAGC
A I Y 207
3421 ATACATGGGGGACGATTTTATGTTTCAGCTGTATGGGAAGTACCAGGATATGGCTTTAGC
Y M G D D F M F Q L Y G K Y Q D M A L A 227
3481 AGTTAAAAACCCATGCCATCTTAACATAGCAGCTTGCCTCATCAAACATAACGATACGA
V K N P C H L N I A A C L I K L K R Y D 247
3541 TGAAGCAATTGGTCACTGCAACATTGTAAGACTCATCAAACCATTCAATTGAAGAAAATC
E A I G H C N I 255
3601 ATTAAAGTTCATACTCGGTTTCTCGAAATCTAATCAAACCTCAAACCTTATCAGGTGTTG
V L 257
3661 ACAGAAGAAGAGAAAAACCCAAAAGCACTGTTTCAGAAGAGGGAAAAGCAAAGGCAGAGCTA
T E E E K N P K A L F R R G K A K A E L 277
3721 GGACAGATGGACTCAGCACGTGATGATTTCCGAAAGGCACAAAAGTATGCTCCTGACGAC
G Q M D S A R D D F R K A Q K Y A P D D 297
3781 AAGGCGATTAGAAGAGAGCTACGAGCACTTGCAGAGCAAGAGAAAGCCTTGTAACAAAAG
K A I R R E L R A L A E Q E K A L Y Q K 317
3841 CAGAAAGAAATGTACAAAGGAATATTCAAAGGGAAAGATGAAGGTGGTGCTAAGTCAAAG
Q K E M Y K G I F K G K D E G G A K S K 337
3901 AGCCTTTTTTGGTTGATAGTGTTATGGCAATGGTTTGTTCCTTTTCTCCCGTATCTTT
S L F W L I V L W Q W F V S L F S R I F 357
3961 CGACGCCACAGAGTTAAAGCAGATTAATGTATGAAGAAGGGTTACAATTA
R R H R V K A D * 365
351 SLFSRIFRRH RVKAD

FIGUR 2

TTP 1 MAEVEEEQQLQNSSVDQGSTDEIIAEGASVVRGELPQDDAGPPKVDSEVE 50
TWD 1 ...MDESLEHQTQTHDQES...EIVTEGSAVVHSEPSQEGNVPPKVDSEAE 45
TTP 51 VLHEKVTKQIVKEGHGQKPSKYATCFVHYRAWAESTQHKFEDTWREOQPL 100
TWD 46 VLDEKVSQIIEKEGHGSKPSKYSTCFLHYRAWTKNSQHKFEDTWHEQOPI 95
TTP 101 ELVIGKERKEMTGLAIGVNSMKSGERALFHVGVWELAYGKEGNFSFPNVPP 150
TWD 96 ELVLGKEKKELAGLAIGVASMKSGERALVHVGVWELAYGKEGNFSFPNVPP 145
TTP 151 TADVLYEVELIGFDETGEKGARGDMTVEERIGTADRRKMDGNALFKEEKL 200
TWD 146 MADLLYEVEVIGFDETKEGKARSMTVEERIGAADRRKMDGNSLFKEEKL 195
TTP 201 EEAMQOYEMAIAYMGDDFMFQLFQKFRDMALAVKNPCHLNMAACLLKLQR 250
TWD 196 EEAMQOYEMAIAYMGDDFMFQLYGKYQDMALRVKNPCHLNIAACLIKLR 245
TTP 251 YDEAIAQCSIVLAEENNVKALFRRGKARSILGQTDAAAREDFLKARKLAP 300
TWD 246 YDEAIGHCNIVLTEEEKNPALFRRGKAKAELGOMDSARDDFRKAQKYAP 295
TTP 301 QDKAITRELNLIAEHKAVY..... 320
TWD 296 DDKAIRRELRLALAEQEKALYQKQKEMYKGIFKGKDEGGAKSLSFLWLIVL 345

FIGUR 3

ZmTWD 1 EEAMQOYEMAIAYMGDDFMFQLFQKRYRDMALAVKNPCHLNMAACLIKLR 50
TWD 196 EEAMQOYEMAIAYMGDDFMFQLYGKYQDMALRVKNPCHLNIAACLIKLR 245
ZmTWD 51 FDEAIAQCSIVLTEDESNVKALFRRGKAKSELGQTESAREDFLKAKKYS 100
TWD 246 YDEAIGHCNIVLTEEEKNPALFRRGKAKAELGOMDSARDDFRKAQKYAP 295
ZmTWD 101 EXKEIIRELRLALAEQXKALYQKQKELYKGLFGPSPE...AKPKKAKYLVVF 148
TWD 296 DDKAIRRELRLALAEQEKALYQKQKEMYKGIFKGKDEGGAKSLSFLWLIVL 345
ZmTWD 149 WQWLVSFILYLAGMFKRKNE 168
TWD 346 WQWFVSLFSRIFRRHRVKAD 365